# Leitura Multi-Anodal

P. Gaspar, J. M. Seixas 12.07.2021





Usando um Fotomultiplicadora Multi-Anodo e Aprendizagem Profunda para Tornar Mais Fina a Granularidade do Calorímetro Hadrônico TileCal do ATLAS



### Projeto: Física Experimental de Altas Energias e Tecnologias Associadas

- Projeto em andamento em conjunto com o TileCal (LPS COPPE/Poli/UFRJ & CERN).
- Combinação de processamento de sinais e aprendizado de máquina em experimentos de HEP.
- Spin-offs:
  - Possibilidade de aplicação da tecnologia em outros detectores, atuais e novos.
  - (TB, Covid-19).





Metodologia similar pode ser aplicada em outras frentes; algumas aplicações já estão sendo feitas em medicina

COPPE/Poli/UFRJ Laboratório de Processamento de Sinais nteligência Computacional. Inovação





- Tornar mais fina a granularidade do TileCal através do uso de uma fotomultiplicadora de leitura Multi Anodal (MA-PMT).
- Associar as imagens formadas na grid de pixels da MA-PMT à regiões específicas dentro das células do calorímetro.
- Tornar a granularidade atual das camadas A e BC duas vezes mais fina, sem modificar a estrutura mecânica do TileCal.

Módulos do TileCal









O sinal temporal coletado pela PMT de anodo único, permite separar os dados, das células A e BC, em duas novas sub-regiões.

Essa separação permite criarmos um conjunto de dados anotados e assim olhar para o problema sobre a perspectiva do **aprendizado** supervisionado.





## Motivação

- Boosted Jets no ambiente de alta luminosidade do LHC (HL-LHC).
- Quarks produzidos com um *boost* em seu momento.
- Seus produtos de decaimento possuem momento na mesma direção.





- Ângulo de separação entre dois quarks.
- Cada vez menor com o aumento de energia.

## Introdução

- Cada célula do calorímetro é lida por um grupo de fibras responsáveis por transportar o sinal luminoso até o tubo fotomultiplicador localizado no final do módulo.
- Na configuração atual, cada célula é lida por dois tubos fotomultiplicadores.
- Para o a nova cadeia de leitura, substituímos uma das fotomultiplicadoras de anodo único por uma MA-PMT



### MA-PMT

### Agrupamento de Fibras



### Módulo do TileCal



No novo arranjo experimental, o mesmo sinal é lido por dois tubos fotomultiplicadores com características diferentes.



## Conjunto de Dados

- Durante o processo de calibração, uma fonte radioativa de Cs137 passa por todos os módulos a fim de checar a qualidade e uniformidade da resposta de cada uma das telhas do calorímetro.
- Usamos o sinal temporal coletado pela PMT de anodo único, juntamente com o conhecimento da geometria do detector, para criar o conjunto de dados de treinamento.

### • Exemplo:

 Usar o perfil de sinal temporal para separar a célula A12 em duas novas sub-células (esquerda e direita).

### Cesium Scan Path in A12 Cell





- A célula A12 possui 9 telhas em cada um dos seus 3 tubos.
- O scan com a fonte de Cs funciona como um raio-x de cada célula.
- Durante a passagem da fonte radioativa, em um dos tubos, vemos 9 picos no seu sinal temporal.

## tubos. e



- Usando o sinal coletado pela PMT de anodo único podemos dividir as células A em duas novas regiões: esquerda e direita.
- Com um método similar as células BC são divididas em células B e C, separadamente. Desta vez usando informações dos tubos presentes em cada uma destas células.
- Essa nova separação permite criar um banco de dados anotado e tratar o problema sob a perspectiva do aprendizado supervisionado.



7



- Usando o sinal coletado pela PMT de anodo único podemos dividir as células A em duas novas regiões: esquerda e direita.
- Com um método similar as células BC são divididas em células presentes em cada uma destas células.
- Essa nova separação permite criar um banco de dados anotado e tratar o problema sob a perspectiva do **aprendizado** supervisionado.



### Sinal coletado pela PMT

Não descartamos os sinais de baixa amplitude

| A2 Cs Run Numbers | Amostras |
|-------------------|----------|
| 10726F            | 520      |
| 10727B            | 524      |
| 10728F            | 524      |
| 10729B            | 528      |
| 10730F            | 524      |
| 10731B            | 524      |
| 10732F            | 524      |
| 10733B            | 524      |
| 10734F            | 522      |
| 10735B            | 522      |
| 10736F            | 520      |
| 10737B            | 520      |
| 10741F            | 516      |
| 10742B            | 518      |
| 10743F            | 520      |
| 10744B            | 514      |



de pixels da MA-PMT pode resolver o problema da baixa estatística coletada durante o processo de calibração.

## Modelos Generativos

- Usar um model generativo para aumentar o número de amostras no conjunto de dados.
- Generative Adversarial Networks (GAN) são redes baseadas em teoria dos jogos.
- Dois modelos (*Deep Neural Networks*) competem entre si.
- **Gerador:** Cria imagens sintéticas que se parecem com as imagens reais.
- **Discriminador:** Avalia se as images são reais ou sintéticas.

### MinMax Game

### $J^{(D)} = -\frac{1}{2} \mathbb{E}_{x \sim p_{data}} \log D(x) - \frac{1}{2} \mathbb{E}_z \log(1 - D(G(z)))$ $J^{(G)} = -J^{(D)}$





**R: Dados Reais** 

**G: Dados Sintéticos** 



# Proposta de Validação Cruzada

- 16 corridas para a célula A2.





# Pipeline de Dados

- Propomos três *pipelines* diferentes.
- **Synthetic:** Treinar a CNN com dados sintéticos.
- Altogether: Treinar a CNN com uma combinação de dados reais e sintéticos.
- Fine Tuning: Carregar a CNN treinada com dados sintéticos, e começar um processo de ajuste fino do modelo usando os dados reais.



# Resultados

14

### Imagens - Célula A2



|                  | <b>.AS</b> P | relimin | ary    |        | Lei    | ft Subo | ell –        | 250     | ensitv  |
|------------------|--------------|---------|--------|--------|--------|---------|--------------|---------|---------|
| _ Tile           | Calori       | meter   | 201.85 |        | Re     | al Imaç | jes _        | <br>240 | an Inte |
| <br>             | 217.77       | 217.23  | 203.80 | 236.58 | 200.99 | 194.96  | <br>         | 230     | Me      |
| _<br>235.07<br>_ | 203.27       | 221.60  | 197.36 | 220.11 | 225.71 | 210.36  |              | <br>220 |         |
| <br>174.99<br>   | 197.99       | 200.41  | 196.65 | 255.00 | 193.13 | 199.16  | 199.34       | 010     |         |
| 202.60           | 219.62       | 218.31  | 215.65 | 221.61 | 219.27 | 202.04  | 212.66 _<br> | 210     |         |
| <br>             | 228.70       | 195.97  | 220.41 | 201.58 | 180.86 | 226.39  | 201.20       | <br>200 |         |
|                  | 188.58       | 213.09  | 209.62 | 190.78 | 209.14 | 195.66  |              | <br>190 |         |
|                  |              |         | 184.83 | 227.43 |        |         |              | <br>180 |         |

[x pixels]

Mean Intensity



[x pixels]



[x pixels]



[x pixels]



[x pixels]

[y pixels]



- Exemplo de imagens reais e sintéticas geradas para a célula A2.
- As imagens mostram a média de intensidade de pixels para cada conjunto de dados.
- Diferença relativa entre entre as imagens reais e sintéticas possui 3% como o maior valor.

### Imagens - Célula A2

| <u></u> |
|---------|
| Ð       |
| ×       |
| ā       |
| ~       |
|         |

| ATL             | <b>.AS</b> P | relimin | ary   |       | Rea   | l Image   |            |   | 0.1   |
|-----------------|--------------|---------|-------|-------|-------|-----------|------------|---|-------|
| _ Tile          | Calori       | meter   | 0.12  | 0.12  | (Left | (Right) - | 1 _        |   | 0.08  |
|                 | 0.12         | 0.12    | 0.12  | 0.12  | 0.12  | 0.12      |            | _ | 0.06  |
| 0.12<br>        | 0.12         | 0.11    | 0.12  | 0.12  | 0.12  | 0.12      |            | _ | 0.04  |
| _<br>_0.12<br>_ | 0.11         | 0.07    | 0.10  | 0.12  | 0.12  | 0.12      | 0.12 _<br> |   | 0.02  |
| 0.12<br>        | 0.10         | 0.06    | 0.10  | 0.11  | 0.12  | 0.12      | 0.12       | - | 0     |
|                 | 0.11         | 0.05    | 0.01  | 0.03  | 0.10  | 0.12      | 0.12       | _ | -0.02 |
|                 | 0.11         | 0.04    | -0.03 | -0.05 | 0.09  | 0.12      |            |   | -0.04 |
| <br><br>        |              |         | 0.10  | 0.10  |       |           |            |   | -0.06 |
|                 |              |         |       |       |       |           |            |   |       |

| AT                    | L <b>AS</b> P | relimin | ary   |       | Synth  | etic Ima  | ages |
|-----------------------|---------------|---------|-------|-------|--------|-----------|------|
| Tile                  | Calori        | meter   | 0.06  | 0.06  | (Left/ | 'Right) - | 1    |
|                       | 0.07          | 0.07    | 0.07  | 0.07  | 0.06   | 0.05      |      |
| 0.08                  | 0.06          | 0.06    | 0.07  | 0.07  | 0.07   | 0.06      |      |
| 0.06                  | 0.07          | 0.03    | 0.07  | 0.07  | 0.06   | 0.06      | 0.08 |
| 0.07                  | 0.05          | 0.01    | 0.05  | 0.06  | 0.07   | 0.06      | 0.08 |
|                       | 0.06          | -0.01   | -0.05 | -0.02 | 0.04   | 0.07      | 0.08 |
|                       | 0.07          | -0.01   | -0.07 | -0.08 | 0.04   | 0.07      |      |
| _<br>_<br>_<br>_<br>_ |               |         | 0.05  | 0.06  |        |           |      |

[x pixels]

Imagens sintéticas foram capazes de capturar o padrão que difere cada uma das classes.

[x pixels]

[y pixels]

- Aqui mostramos a diferença no padrão discriminatório que representa cada uma das classes (sub-células).
- Para a camada (granularidade transversal) as classes são para as sub-células direita e esquerda.
- Na primeira figura vemos a diferença nesse padrão para as imagens reais (coletadas durante a calibração de Cs).
- A segunda figura mostra o mesmo padrão, desta vez para as imagens sintéticas geradas pelo model generativo.
- Claramente podemos ver que as imagens sintéticas acompanham o mesmo padrão discriminatório das imagens reais.



### Classificação - Célula A2





- As figuras acima mostram a curva ROC para diferentes pipelines de treinamento.
- O pipelines de treinamento possuem um impacto claro na estimativa de incerteza da classificação.
- O pipeline de Fine Tuning apresentou o melhor resultado entre os três pipelines propostos.

### **Altogether**

**Fine Tunning** 

### Classificação - Célula A2



Resultados na classificação da célula A2 mostram eficiência maxima em todos os bins, com exceção de alguns bins de alta amplitude.

## Imagens - Célula BC1

[y pixels]



[x pixels]

[y pixels]



[x pixels]



[y niyele]



[x pixels]



[v nivels]

[y pixels]

|            | AS F   | relimir | ary    |        | С      | Subcel   |         | 240     | nsity  |
|------------|--------|---------|--------|--------|--------|----------|---------|---------|--------|
| Tile       | Calori | meter   | 182.30 | 177.22 | Syntl  | netic In | nages   | 240     | n Inte |
|            | 200.57 | 201.18  | 189.81 | 218.97 | 196.48 | 187.58   | -       | 230     | Mea    |
| _<br>      | 190.28 | 203.87  | 190.13 | 219.77 | 221.59 | 203.67   |         | <br>220 |        |
| <br>168.15 | 185.11 | 191.28  | 198.71 | 247.64 | 197.72 | 193.68   | 190.21  | 210     |        |
| 189.03     | 201.76 | 208.22  | 214.95 | 214.05 | 205.42 | 192.44   | 200.17  | <br>200 |        |
| <br><br>   | 211.72 | 188.38  | 214.48 | 194.35 | 175.32 | 209.35   | 190.44  | <br>190 |        |
|            | 187.12 | 204.87  | 210.94 | 185.35 | 197.61 | 185.10   |         | <br>180 |        |
|            |        |         | 186.74 | 212.52 |        |          |         | <br>170 |        |
|            |        |         |        |        |        | [×       | oixels] |         |        |

- Exemplos de imagens sintéticas geradas para a célula BC1.
- As imagens mostram a intensidade dia de pixels.
- Temos uma diferença relativa maxima de 6% em alguns pixels.

## Imagens - Célula BC1

|             | <b>.AS</b> P | relimin | nary  |       | Rea   | I Image |      |   | 0.08  |
|-------------|--------------|---------|-------|-------|-------|---------|------|---|-------|
| _ Tile      | Calori       | meter   | -0.00 | -0.00 | (B/C) | ) - 1   |      |   | 0.00  |
|             | -0.00        | -0.00   | -0.01 | -0.01 | -0.03 | -0.01   |      |   | 0.06  |
| -0.00       | -0.00        | -0.01   | -0.02 | -0.07 | -0.06 | -0.04   |      |   | 0.04  |
| -0.00       | -0.00        | -0.02   | -0.06 | -0.06 | -0.05 | 0.01    | 0.01 |   | 0.02  |
| -0.00       | 0.00         | -0.02   | -0.05 | -0.01 | 0.07  | 0.07    | 0.02 | _ | 0     |
| -           | 0.01         | 0.01    | -0.01 | 0.03  | 0.08  | 0.07    | 0.01 | - | -0.02 |
| -<br>-<br>- | -0.04        | -0.04   | -0.06 | 0.04  | 0.08  | 0.05    |      |   | -0.04 |
| -           |              |         | -0.02 | 0.04  |       |         |      |   | -0.06 |

| [X | pixels] |
|----|---------|

| ATL    | <b>.AS</b> P | relimin | ary   |       | Synth | etic Ima | nges |
|--------|--------------|---------|-------|-------|-------|----------|------|
| _ Tile | Calori       | meter   | 0.01  | 0.01  | (B/C) | i - 1    |      |
|        | 0.01         | 0.00    | 0.00  | -0.00 | -0.03 | -0.00    |      |
| _0.00  | 0.01         | 0.01    | -0.02 | -0.06 | -0.05 | -0.02    |      |
| 0.01   | 0.01         | -0.01   | -0.06 | -0.05 | -0.05 | 0.03     | 0.01 |
| 0.01   | 0.02         | -0.01   | -0.05 | 0.00  | 0.08  | 0.09     | 0.03 |
|        | 0.04         | 0.03    | 0.00  | 0.05  | 0.10  | 0.09     | 0.02 |
|        | -0.01        | -0.02   | -0.05 | 0.06  | 0.09  | 0.07     |      |
|        |              |         | -0.02 | 0.05  |       |          |      |

[x pixels]

### Imagens sintéticas foram capazes de capturar o padrão que difere cada uma das classes.

[y pixels]



### Classificação - Célula BC1

### **Synthetic**



 Assim como na classificação da célula A2, o pipeline pipelines propostos.

### **Altogether**

Assim como na classificação da célula A2, o pipeline de Fine Tuning apresentou o melhor resultado entre os três

Fine Tunning

### Classificação - Célula BC1





- Resultados na classificação da célula BC1 mostram eficiência maxima em todos os bins, com exceção de um único bin de baixa amplitude.
- A eficiência para a célula BC valida o processo de analise pois recupera a informação de células B e C separadas, assim como no projeto original do calorímetro.



## Sumário - Resultados da Classificação

| Resultados no Conjunto de Teste |             |             |  |  |  |  |  |
|---------------------------------|-------------|-------------|--|--|--|--|--|
|                                 | Célula A2   | Célula BC1  |  |  |  |  |  |
| ACC                             | 89.4 +- 3.3 | 97.1 +- 1.0 |  |  |  |  |  |
| AUC                             | 99.1 +- 0.3 | 99.9 +- 0.0 |  |  |  |  |  |
| PD (Left/B)                     | 98.3 +- 0.6 | 98.3 +- 0.9 |  |  |  |  |  |
| FA (Left/B)                     | 4.9 +- 1.1  | 1.4 +- 0.4  |  |  |  |  |  |
| PD (Right/C)                    | 95.1 +- 1.1 | 98.5 +- 0.4 |  |  |  |  |  |
| FA (Right/C)                    | 1.7 +- 0.6  | 1.7 +- 0.9  |  |  |  |  |  |

- Aqui mostramos as medidas de performance calculadas nas partições de teste (dados reais coletados durante a calibração de Cs).
- Granularidade longitudinal (células BC) possui resultados um pouco melhores que a granularidade transversal (células A).
- Isso acontece devido à separação natural das células BC em duas sub-células B e C separadamente.
- Medidas de Performance:
  - ACC Acurácia
  - AUC Área sob a curva ROC
  - PD Probabilidade de detecção
  - FA Falso Alarme

### Sumário

- baseando-se no padrão de imagem coletado na grid de pixels da MA-PMT.
- desses pipelines na incerteza de classificação.

### Planos Futuros

- Mover a análise para dados coletados com o *test beam*.
- Analisar o impacto das imagens sintéticas na reconstrução de energia.
- Possibilidade de usar uma SiPMT no lugar da MA-PMT.

Usar uma combinação de modelos generativos e de classificação possibilitou separar células do TileCal em novas sub-células

Treinar modelos de CNN com uma combinação de diferentes pipelines de dados reais e sintéticos permitiu avaliar o impacto



# Obrigado

25